

Programa de Mejora Genética de Olivo de la Universidad de Córdoba para el desarrollo de nuevas variedades resistentes a *Xylella fastidiosa*

^{1,2}Pedro Valverde*, ¹Diego Barranco, ¹Antonio Pascual, ³Teresa Carrillo, ¹Concepción M. Díez, ¹Carlos Trapero. ¹Departamento de Agronomía, Universidad de Córdoba, Campus Universitario de Rabanales, Edificio C4, 14014 Córdoba *E-mail: pedrovalverde@uco.es. ²Dipartimento Scienze Agrarie, Alimentari e Ambientali (D3A). Università Politecnica delle Marche. Ancona, Italy. ³BALAM Agriculture. KM 378, N-IV, 14420 Villafranca de Córdoba, Córdoba.

Desde el inicio de la epidemia producida por *Xylella fastidiosa* en el sur de Italia, se observaron diferentes niveles de resistencia entre los cultivares de olivo locales. Estudios recientes han corroborado esta variabilidad y cultivares como ‘Leccino’ y ‘Fs-17’ han mostrado altos niveles de resistencia, mientras que otros como ‘Ogliarola Salentina’ y ‘Cellina di Nardo’, han mostrado el comportamiento opuesto. Esta variabilidad ha sido la base del primer programa de mejora del olivo para desarrollar nuevos cultivares resistentes a *X. fastidiosa* que actualmente está desarrollando la Universidad de Córdoba (UCO) financiado por la empresa BALAM Agriculture y colaborando con el CNR de Bari.

En el año 2018 y 2019 fueron plantados en la finca experimental de BALAM “El Valenciano”, Carmona (Sevilla), un total 1032 genotipos procedentes de cruzamientos utilizando parentales resistentes. Durante 4 años se ha evaluado el vigor, la precocidad de entrada en producción, rendimiento graso, características del fruto y las características del aceite. En base a los resultados obtenidos, 44 genotipos procedentes de 8 cruzamientos han sido seleccionados para pasar a la siguiente fase con repeticiones. Estas 44 preselecciones han sido propagadas y plantadas en diferentes campos experimentales en España e Italia. Actualmente se cuenta con 4 campos experimentales en la fase de preselecciones. El primer campo se encuentra en “El Valenciano”, el segundo en Lucca, Toscana, Italia y los dos últimos se encuentran en Scorrano, Lecce, Italia, zona totalmente devastada por la bacteria *Xylella fastidiosa* y en los cuales se está evaluando la evolución de la enfermedad en condiciones de campo. Además, a algunos de estos genotipos se les está siendo evaluada la resistencia a la bacteria en condiciones controladas gracias a la colaboración con el CNR de Bari.

Key words: bacteria, caracterización, colaboración público-privada, genotipo/ambiente, mejora clásica, nuevas variedades, *olea europaea*.